

明 細 書

TGF- β 遺伝子発現抑制剤

BEST AVAILABLE COPY

技術分野

- [0001] 本発明はトランスフォーミング増殖因子TGF- β 遺伝子発現抑制剤、TGF- β 関連疾患の治療薬、及び新規なピロールイミダゾールポリアミドに関する。より詳細には特定の構造を有するピロールイミダゾールポリアミドを含んでなるTGF- β 遺伝子発現抑制剤に関する。

背景技術

- [0002] 本態性高血圧症は脳卒中、虚血性心疾患及び腎硬化症等の重篤な合併症を引き起こすが、これらの合併症は、基本的には血管平滑筋細胞(VSMC)の過剰増殖による血管障害と関連しており、高血圧症の治療の対象となっている。また、狭心症、心筋梗塞の治療のために行われる経皮的冠動脈形成術(PTCA)後の約4割に冠動脈の再狭窄が起こるが、今のところこれに対する有効な薬物療法がなく、循環器領域で大きな問題となっている。病理組織的には、高血圧症性血管疾患のような動脈増殖性疾患、血管形成術後の新生内膜形成及びアテローム性動脈硬化には、TGF- β が関連していることが知られている。かかる病態における細胞増殖は種々の作用機構によって抑制することができると考えられるが、そのうちの1つが、トランスフォーミング増殖因子(TGF)発現を抑制することである。
- [0003] TGFは当初、Molony肉腫ウイルス(MSV)によりトランスフォームされたマウス3T3細胞が正常細胞を悪性に変える因子として見出され、主としてTGF- α とTGF- β に大別される。TGF- β は、前駆体として合成された390〜412個のアミノ酸からなる分子量約40,000のタンパク質のC末端側の112個のアミノ酸からなる部分が、ジスルフィド結合を介して二量体(25kDa)を構成して活性を持ったものである。
- [0004] TGF- β は、細胞の成長と発生を調節する蛋白質の一つのファミリーを構成し(非特許文献1)、血管、血小板、肝臓、腎臓、心筋、肺、脾臓、皮膚、胎盤、骨髄などの種々の組織で産生され、細胞の増殖、細胞外マトリックスの形成、免疫能の調節作用をもつ。

- [0005] TGF- β は殆んどの細胞に対して増殖抑制に働くが、線維芽細胞、血管平滑筋細胞 (VSMC) などの間葉系細胞に対しては二相性増殖作用をもつ。つまりこれらの細胞では通常状態では増殖抑制に働くが、炎症、機械的ストレスなどが加わると増殖刺激に働く。これらのことから、TGF- β はVSMC増殖と細胞外マトリクス形成を促進することにより血管傷害後の新生内膜形成に関与している。TGF- β はまた、動脈硬化症の病巣の形成にも関与している。このような情報に基づいて、TGF- β の効果を調節することに向けられた局所血管療法が上記の血管増殖性疾患の軽減に有効と考えられる。
- [0006] また、TGF- β は経皮的腎動脈形成術後の腎動脈の再狭窄にも関与していると考えられている。これらの事実から、本発明のTGF- β 特異的発現抑制薬は、上記の各種血管増殖・狭心性疾患に対する治療薬として有効である。
- [0007] また、肝臓の繊維化の過程で、肝星細胞は細胞外マトリクス産生において重要な役割を果たしている(非特許文献2)。星細胞の活性化はTGF- β 1により行われ、更に活性化星細胞により、障害肝では炎症細胞からのTGF- β 1の分泌が引き起こされる。同時に活性化星細胞のTGF- β 1受容体発現が亢進し、TGF- β 1によるオートクライン機序により細胞外マトリクス蛋白を増加させる(非特許文献3)。これらの事実から、本発明のTGF- β 1特異的発現抑制薬は、上記の各種肝疾患に対する治療薬としても有効であると合理的に考えることができる。
- [0008] また、IgA腎症、巣状糸球体硬化症、半月体形成性腎炎、巣状硬化型ループス腎炎、びまん性増殖性ループス腎炎、糖尿病性腎症、高血圧性腎硬化症等の腎疾患のモデル動物、又は糸球体腎炎や糖尿病性腎症患者の腎生検組織でTGF- β の発現が細胞外基質と並行して増加している(非特許文献4、非特許文献5)また同時にBorderらは、抗TGF- β をThy-1腎炎ラットに投与すると、腎糸球体の細胞外基質の蓄積を抑制することを報告した(非特許文献5)。これらの事実から、本発明のTGF- β 1特異的発現抑制薬は、上記の各種腎疾患に対する治療薬としても有効であると合理的に考えることができる。
- [0009] また、動物の心筋梗塞モデルにおいては、癒痕形成期の梗塞巣で、TGF- β の発現が持続的に亢進し、心筋繊維化の促進に関与している(非特許文献6)。これらの

事実から、本発明のTGF- β 1特異的発現抑制薬は、心筋梗塞後の心筋繊維化に対する治療薬としても有効であると合理的に考えることができる。

[0010] また、肺繊維症モデル動物に抗TGF- β 抗体やTGF- β 可溶性レセプターを投与することにより肺繊維症が改善する(非特許文献7)。これらの事実から、本発明のTGF- β 1特異的発現抑制薬は、肺繊維症に対する治療薬としても有効であると合理的に考えることができる。

[0011] また、ヒト慢性膵炎におけるTGF- β 1の高発現については多数報告されているが、再発性急性膵炎のモデル動物に組換えTGF- β を投与すると、膵の炎症部分の繊維化やフィブロネクチンmRNAの高発現を引き起こし、逆に膵炎のモデル作成時にTGF- β 1の中和抗体を投与すると、細胞外マトリックスの産生及びI・III型コラーゲンやフィブロネクチンのmRNA発現が抑制されることが明らかにされている(非特許文献8)。これらの事実から、本発明のTGF- β 1特異的発現抑制薬は、慢性膵炎における繊維化に対する治療薬としても有効であると合理的に考えることができる。

[0012] また、強皮症の原因としTGF- β が提唱され、森らは皮膚繊維化モデルマウスにおいて、TGF- β が皮膚繊維化を誘導することを報告した(非特許文献9)。これらの事実から、本発明のTGF- β 1特異的発現抑制薬は、各種皮膚繊維化疾患に対する治療薬としても有効であると合理的に考えることができる。

[0013] また、骨髓繊維症の患者の巨核球ではTGF- β mRNAの発現が亢進しており(非特許文献10)、血小板内TGF- β 濃度は高値(非特許文献11)で、患者の血漿中TGF- β 濃度は有意に高い(非特許文献12)と報告されている。Rameshwarらによると骨髓繊維症の患者の単球は粘着によってNF- κ が活性化してIL-1産生を誘導し、IL-1はTGF- β 産生を亢進させて骨髓の繊維化を惹起している(非特許文献13)。これらの事実から、本発明のTGF- β 1特異的発現抑制薬は、骨髓繊維症に対する治療薬としても有効であると合理的に考えることができる。

[0014] また、男性型前頭部脱毛患者の培養細胞系において、男性ホルモンが皮膚乳頭細胞からTGF- β 1が誘導され、このTGF- β 1が表皮細胞増殖を抑制させることが報告されている(非特許文献14)。これらの事実から、本発明のTGF- β 1特異的発現抑制薬は、男性型前頭部脱毛に対する治療薬としても有効であると合理的に考え

ることができる。

- [0015] 逆遺伝学による遺伝子機能の不活性化の手法は、ある特定の遺伝子の機能を解析するために用いられるものであるが、一方でウイルス感染、癌、及び遺伝子の異常発現に基づくその他の疾病の治療にも大きな可能性を開いている。すなわち、遺伝子機能の不活性化を、相同的組換えによりDNAレベルで、又はアンチセンスオリゴデオキシヌクレオチドやリボザイムによりRNAレベルで実施することができることが知られている。しかし、アンチセンスオリゴデオキシヌクレオチドやリボザイムの手法は、ターゲットとする配列に制約があり、組織、細胞への移行が悪く、リボヌクレアーゼにより分解されやすいという課題があった。
- [0016] 一方、アンチセンス試薬やリボザイムのような(デオキシ)リボヌクレオチド試薬とは異なり、ピロールイミダゾールポリアミド(以下、Py-Imポリアミドとも言う)類が、DNAの塩基配列を特異的に認識し、特定遺伝子の発現を細胞外からコントロールすることができることが報告されている。
- [0017] ピロールイミダゾールポリアミド是一群の合成小分子であり、芳香族環であるN-メチルピロール単位(以下Pyとも言う)及びN-メチルイミダゾール単位(以下Imとも言う)から構成されている(非特許文献15-17)。Py及びImは連続してカップリングし折りたたむことによりγ-アミノ酪酸の存在下でU字型のコンフォメーションを採ることができる。本発明に係るピロールイミダゾールポリアミドにおいて、N-メチルピロール単位(Py)、N-メチルイミダゾール単位(Im)及びγ-アミノ酪酸単位(γリンカーとも言う)は互いにアミド結合($-C(=O)-NH-$)で連結されており、その一般構造及び製造方法は公知である(特許文献1-3)。
- [0018] 合成ポリアミドは二重らせんDNAの副溝(マイナーグループ)中の特定の塩基対に高い親和性と特異性を以って結合することができる。塩基対の特異的認識はPyとImとの1対1の対形成に依存している。即ち、DNAの副溝内でのU字型コンフォメーションにおいて、Py/Im対はC-G塩基対を標的とし、Im/PyはG-C塩基対を標的とし、そしてPy/PyはA-T塩基対及びT-A塩基対の両方を標的とする(非特許文献16-17)。最近の研究によればA-T縮合はPy/Py対の一つのピロール環を3-ヒドロキシピロール(Hp)で置換した結果としてHp/Pyが優先的にT/A対に結合する

ことによって克服することができることがわかっている(非特許文献18)。

- [0019] 一般的には転写の開始が遺伝子制御の重要なポイントであると考えられている。転写の開始には遺伝子プロモータ領域において特異的な認識配列に結合する転写因子をいくつか必要とする。副溝中のポリアミドは、もし転写因子が遺伝子発現において重要であれば、転写因子の結合を遮断して遺伝子の調節に干渉する可能性がある。この仮説はインビトロ及びインビボの実験で証明されている。ジンクフィンガーの認識部位(TFIIBの結合部位)の内部に結合した8員環Py-Imポリアミドは5SRNA遺伝子の転写を阻害した(非特許文献19)。ヒト免疫不全ウイルス1型(HIV-1)プロモータ中の転写因子配列に隣接する塩基対に結合するポリアミド類は、ヒト細胞におけるHIV-1複製を阻害する。これらの配列にはTATAボックス、リンパ系エンハンサー因子LEF-1配列、及びETS-1配列が包含される(非特許文献20)。これとは対照的に、ポリアミドはまた、リプレッサー因子を遮断することによって、又は生来の転写因子を置換することによって、遺伝子発現を活性化する(非特許文献21-23)。ヒトサイトメガロウイルス(CMV)UL122仲介初期タンパク質2(IE86)は、プロモータにRNAポリメラーゼIIを補充することを遮断し、その関連遺伝子の転写を抑制する(非特許文献21)。合成ポリアミドはIE86の抑制を遮断しその対応遺伝子の発現を開放することができる(非特許文献22)。Mappらにより設計されたポリアミドは人工転写因子として作用し、遺伝子転写反応を仲介する(非特許文献23)。

- [0020] 特許文献1:特許第3045706号

特許文献2:特開2001-136974

特許文献3:WO 03/000683 A1

非特許文献1:Piek et al.、FASEB J, 13, 2105-2124(1999)

非特許文献2:Bataller R et al, Gastroenterology 118, 1149, 2000

非特許文献3:渡辺久剛ら、現代医療、第35巻(第2号)、2003年

非特許文献4:Yamamoto T et al : Kidney Int 49 : 461,1996

非特許文献5:Border WA et al : Kidney Int 51 : 1388,1997

非特許文献6:Ono et al :Circulation 98 : 149,1998

非特許文献7:Giri SN al :Thorax 1993

非特許文献8:榎野 直彦他:現代医療Vol.35,No.2,2003

非特許文献9:Mori et al : JCell Physiol 181 : 153,1999

非特許文献10:Reilly J et al : Clin Haematol : 11751-767,1998

非特許文献11:Martyre M Cet al : Br J Haematol 77 : 80-86,991

非特許文献12:Rameshwar Pet al : Am J Haematol 59 : 133-142,1998

非特許文献13:Rameshwar et al : J Immunol 165 : 2271-2277,2000

非特許文献14:Shigeki et al: FASEB J 16 : 1967-1969,2002

非特許文献15:Trauger et al:Nature.1996;382:559-61.

非特許文献16:White et al:Chem Biol.1997;4:569-78.

非特許文献17:Dervan:BioorgMed Chem.2001;9:2215-35.

非特許文献18:White et al:Nature.1998;391:468-71.

非特許文献19:Gottesfeld et al:Nature.1997;387:202-5.

非特許文献20:Dickinson et al:Proc Natl Acad Sci U S A.1998;95:12890-5

非特許文献21:Lee et al:Proc Natl Acad Sci U S A.1996;93:2570-5.

非特許文献22:Dickinson et al:Biochemistry.1999;38:10801-7.

非特許文献23:Mapp et al:Proc Natl Acad Sci U S A.2000;97:3930-5.

発明の開示

発明が解決しようとする課題

- [0021] 先に述べた、アンチセンスオリゴデオキシヌクレオチドやリボザイムの手法は、ターゲットとする配列に制約があり、組織、細胞への移行が悪く、リボヌクレアーゼにより分解されやすいという課題があった。これまでに、hTGF- β の遺伝子塩基配列に結合するピロールイミダゾールポリアミドを用いたTGF- β 遺伝子発現抑制剤又はTGF- β 関連疾患の治療薬についての報告はない。

課題を解決するための手段

- [0022] 本発明者らは、ヒトTGF- β のプロモータの特定の領域に特異的に結合してヒトTGF- β 遺伝子の発現を阻害することができるピロールイミダゾールポリアミドの開発とその薬理効果について鋭意研究した。そこで、本発明者らは、ヒトトランスフォーミング成長因子- β 1 (hTGF- β 1) 遺伝子の発現を阻害することができ、且つ治療薬とし

て役立ち得る化合物を得るべく、hTGF- β 1プロモータの様々な断片を標的とするポリアミド類のうち、脂肪特異性配列2(FSE2)に隣接するhTGF- β 1プロモータの-557~-536塩基対に結合する化合物が、hTGF- β 1プロモータの活性を有意に阻害し、培養ヒト血管平滑筋細胞(VSMC)においてhTGF- β 1遺伝子の発現をダウンレギュレートすることを見出し、本発明をなすに至った。

[0023] 即ち、本発明は以下の通りである。

(1) N-メチルピロール単位(以下Pyとも言う)、N-メチルイミダゾール単位(以下Imとも言う)及び γ -アミノ酪酸単位を含むピロールイミダゾールポリアミドであって、ヒトランスフォーミング成長因子 β 1(以下hTGF- β 1とも言う)プロモーターの以下に示す塩基配列-557~-536(配列番号1)

TAAAGGAGAGCAATTCTTACAG

の一部又は全部とこれに対する相補鎖を含む二重らせん領域(以下標的領域と言う)の副溝内において、前記 γ -アミノ酪酸単位の部位で折りたたまれてU字型のコンフォメーションをとることができ、C-G塩基対に対してはPy/Im対が、G-C塩基対に対してはIm/Py対が、A-T塩基対及びT-A塩基対に対してはいずれもPy/Py対がそれぞれ対応する、上記ピロールイミダゾールポリアミドを含んでなるTGF- β 遺伝子発現抑制剤。

(2) 更に β -アラニン単位を含む上記(1)記載のTGF- β 遺伝子発現抑制剤。

(3) 前記標的領域がhTGF- β 1プロモーターの以下に示す塩基配列-548~-537(配列番号2)

GCAATTCTTACA

の一部又は全部とこれに対する相補鎖を含む二重らせん領域である上記1又は2記載のTGF- β 遺伝子発現抑制剤。

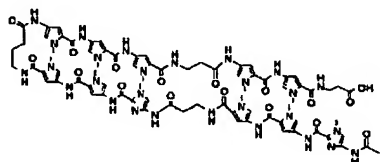
(4) 前記標的領域がhTGF- β 1プロモーターの以下に示す塩基配列-544~-538(配列番号3)

TTCTTAC

の一部又は全部とこれに対する相補鎖を含む二重らせん領域である上記3記載のTGF- β 遺伝子発現抑制剤。

(5) 前記ピロールイミダゾールポリアミドが下式で表される上記1記載のTGF- β 遺伝子発現抑制剤。

[化1]



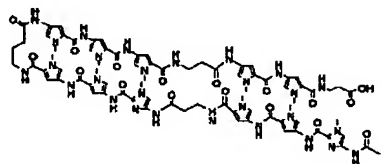
(6) 前記ピロールイミダゾールポリアミドの末端のカルボキシル基がアミドを形成している上記5記載のTGF- β 遺伝子発現抑制剤。

(7) 前記アミドがN, N-ジメチルアミノプロピルアミンとのアミドである上記6記載のTGF- β 遺伝子発現抑制剤。

(8) 前記ピロールイミダゾールポリアミドがFITC (フルオレセインイソチオシアネート) と共役体を形成している上記5-7のいずれか一項記載のTGF- β 遺伝子発現抑制剤。

(9) 下式で表されるピロールイミダゾールポリアミド。

[化2]



発明の効果

[0024] 本発明によれば、遺伝子発現を特異的に抑制することができるので化学療法剤のような副作用がなく、また化合物であるのでリボヌクレアーゼにより分解されるという欠点もない、TGF- β 遺伝子発現抑制剤を得ることができる。

発明を実施するための形態

[0025] 本発明に係るピロールイミダゾールポリアミドにおいて、N-メチルピロール単位(以下Pyとも言う)、N-メチルイミダゾール単位(以下Imとも言う)及び γ -アミノ酪酸単位(γ リンカーとも言う)は互いにアミド結合($-C(=O)-NH-$)で連結されており、その

一般構造及び製造方法は公知である(例えば、特許文献1〜3参照)。

[0026] 例えば、ピロールイミダゾールポリアミドはFmoc(9-フルオレニルメトキシカルボニル)を用いた固相法(固相Fmoc法)による自動合成法によって簡便に製造することができる(特許文献3)。固相Fmoc法によれば、ピロールイミダゾールポリアミドの末端をカルボン酸残基として固体担体から切り出すことができるので、種々の官能基を分子末端に導入してピロールイミダゾールポリアミドの誘導体を作成することもできる。例えば、デュオカルマイシン、ピロロベンゾジアゼピン、ブレオマイシン、エンジン化合物、ナイトロジェンマスタード、これらの誘導体等、DNAに対してアルキル化能を有する化合物を必要に応じて導入することもできる。固相Fmoc法は市販のタンパク(ペプチド)合成機を用いる自動合成法であるため、天然に存在するタンパク質や非天然タンパク質とピロールイミダゾールポリアミドとの共役体(コンジュゲート)を合成することもできる。また、Fmoc法はt-BOC法に比べて反応条件が緩和であるため、タンパク質以外の有機化合物(酸性条件下で不安定な官能基を有する化合物を含む)の導入も可能である。例えば、ピロールイミダゾールポリアミドとDNAやRNA(又はそれらの誘導体)との共役体を自動的に合成することも可能である。

[0027] 上記公知のFmoc法等によれば、末端にカルボキシル基を有するピロールイミダゾールポリアミドを合成することができる。その具体例としては、例えば、末端にβ-アラニン残基(β-アミノプロピオン酸残基)やγ-アミノ酪酸残基を有するピロールイミダゾールポリアミド等が挙げられる。末端にβ-アラニン残基又はγ-アミノ酪酸残基を有するピロールイミダゾールポリアミドは、例えば、それぞれFmocでアミノ基を保護した、アミノピロールカルボン酸、アミノイミダゾールカルボン酸、β-アラニン又はγ-アミノ酪酸を担持した固相担体を用い、ペプチド合成機を使用して固相Fmoc法により合成することができる。

[0028] アミノピロールカルボン酸の具体例としては、例えば、4-アミノ-2-ピロールカルボン酸、4-アミノ-1-メチル-2-ピロールカルボン酸、4-アミノ-1-エチル-2-ピロールカルボン酸、4-アミノ-1-プロピル-2-ピロールカルボン酸、4-アミノ-1-ブチル-2-ピロールカルボン酸等が挙げられる。アミノイミダゾールカルボン酸の具体例としては、例えば、4-アミノ-2-イミダゾールカルボン酸、4-アミノ-1-メチル-2-イミダ

ゾールカルボン酸、4-アミノ-1-エチル-2-イミダゾールカルボン酸、4-アミノ-1-プロピル-2-イミダゾールカルボン酸、4-アミノ-1-ブチル-2-イミダゾールカルボン酸等が挙げられる。

[0029] 固相Fmoc法によれば、例えば、ピロールイミダゾールポリアミドとFITC(フルオレセインイソチオシアネート)との共役体を合成することもできる。FITCは従来から抗体の蛍光標識試薬として知られているので、得られる共役体は、当該ピロールイミダゾールポリアミドが特定のDNA配列を認識することを証明するために用いることができる。

[0030] 本発明のTGF- β 遺伝子発現抑制剤は、N-メチルピロール単位(Py)、N-メチルイミダゾール単位(Im)及び γ -アミノ酪酸単位を含むピロールイミダゾールポリアミドであって、hTGF- β 1プロモーターの以下に示す塩基配列-557〜-536(配列番号1)

TAAAGGAGAGCAATTCTTACAG

の一部又は全部とこれに対する相補鎖を含む二重らせん領域(以下標的領域と言う)の副溝内において、前記 γ -アミノ酪酸単位の部位で折りたたまれてU字型のコンフォメーションをとることができ、C-G塩基対に対してはPy/Im対が、G-C塩基対に対してはIm/Py対が、A-T塩基対及びT-A塩基対に対してはいずれもPy/Py対がそれぞれ対応する、上記ピロールイミダゾールポリアミドを含む。

[0031] 通常DNAのらせんの骨格は2種類の溝をつくり、広くて深い溝を主溝(メジャーグループ)、狭くて浅い溝を副溝(マイナーグループ)と呼んでいる。ここで上記ピロールイミダゾールポリアミドは、特定の塩基対がつくる副溝(マイナーグループ)に高い親和性と特異性を以って非共役結合的に結合することができる。この時の結合は、副溝のC-G塩基対に対してはピロールイミダゾールポリアミドのPy/Im対が、G-C塩基対に対してはIm/Py対が、A-T塩基対及びT-A塩基対に対してはいずれもPy/Py対がそれぞれ対応している。そして、ピロールイミダゾールポリアミド分子中の γ -アミノ酪酸単位の部位で分子が折りたたまれてU字型のコンフォメーションをとる。

[0032] 副溝の塩基対とピロールイミダゾールポリアミドのPyとImの対が上述のように対応していないと、副溝とピロールイミダゾールポリアミドとの結合が不十分となる。このよう

に、副溝の塩基対とPy-Im対が上述のように対応していないピロールイミダゾールポリアミドを本願ではミスマッチ又はミスマッチポリアミドと呼ぶ。

- [0033] Py-Imポリアミドはインビトロ研究では一般的な又は組織特異的な転写因子の有効な阻害剤又は活性化剤である(非特許文献19-23)。特異的なポリアミドでショウジョウバエ(*Drosophila*)を発育させると、特に毒性もなく機能的表現型を獲得したり喪失したりするが、これはポリアミドが特異的に遺伝子発現を制御した結果である(Janssen et al: Mol Cell. 2000; 6: 1013-24; Janssen et al: Mol Cell. 2000; 6: 999-1011.)。本発明者らはhTGF- β 1プロモータの特定の断片を標的とするPy-Imポリアミド類を合成した。まさに図4に示すように、FITCで標識したPy-Imポリアミドは自発的に細胞膜を透過し、直接培地に添加すると培養hVSMCの核内に高濃度で蓄積した。これらのポリアミドは核内に48時間以上特に消失することもなく安定に滞留した。先に記載されたアンチセンスオリゴヌクレオチド及びリボザイム(Hu WY, Fukuda N, Nakayama M, Kishioka H, Kanmatsuse K. Inhibition of vascular smooth muscle cell proliferation by DNA-RNA chimeric hammerhead ribozyme targeting to rat platelet-derived growth factor A-chain mRNA. J Hypertens. 2001; 19: 203-12; Teng J, Fukuda N, Hu WY, Nakayama M, Kishioka H, Kanmatsuse K. DNA-RNA chimeric hammerhead ribozyme to transforming growth factor- β mRNA inhibits the exaggerated growth of vascular smooth muscle cells from spontaneously hypertensive rats. Cardiovasc Res. 2000; 48: 138-47)と比較して、ポリアミドは選りすぐれた透過性(低濃度、トランスフェクション媒体不要)とより高い安定性を培養hVSMCにおいて示した。ポリアミドの高い透過性と安定性は遺伝子治療のための真核細胞の核への理想的な薬剤アプローチを提供するものである。

- [0034] 最近までPy-Imポリアミドの開発はプロモータ配列における転写因子-DNA複合体の構造的特性に基づいていた。TATAボックス含有プロモータ中の配列を標的とする効率的な方法は、TATAボックスに隣接する塩基対に結合するよう設計すること

であろう。TATAボックスはほとんどのタンパク質コード遺伝子において転写開始部位の上流25〜35塩基対に位置している。転写介在因子D (TAF_{II}D)はTATAボックスに特異的に結合するTATAボックス結合タンパク質(TBP)を含んでおり、コアプロモータにおける他の転写関与因子を採用してプレ開始コンプレックス(PIC)を形成する。PICは遺伝子転写を開始してアクチベータ又はサプレッサと相互作用して遺伝子発現を調節する。TBPも二重らせんDNAの副溝(マイナーグループ)に結合するので(Lee et al:Cell.1991 Dec 20;67(6):1241-50;Starr et al:Cell.1991;67:1231-40;

Courey et

al:Cell.1988;55:887-98.)、合成ポリアミドはTATA結合タンパク質の結合部位を競合的に占有し、遺伝子転写に干渉する。様々なプロモータで設計したポリアミドの成功例のうちで、TATAボックスを標的とするものが常に機能することが知られている(非特許文献20、21)。

- [0035] TATAボックスもイニシエーター領域(Inr)も含んでいない種類のプロモータもある(Javahery et al:Mol Cell Biol.1994;14:116-27;Lo et al:Gene.1996 Dec 5;182(1-2):13-22;Romeo et al:Gene.1997;189:289-95.)。高度に発現し特化された遺伝子プロモータはTATAボックスを有している傾向にあるが、ハウスキーピング遺伝子プロモータにはそれが欠如している傾向がある。TATAのないプロモータは、低レベルで発現される遺伝子や、増殖の間に厳密なダウンレギュレーションを要求する遺伝子にとっては必要かもしれないが、そのメカニズムはなお今後の研究を要する。hTGF- β 1プロモータはこの種類に属する。これは転写開始部位の上流の様々な領域にいくつかの陽性及び陰性の配列を含んでいる(Kim et al:J Biol Chem.1989;264:402-8.)。転写開始部位の近傍にはいくつかのSP-1配列と二つのAP-1配列が存在する。様々なウイルス性及び細胞性プロモータがSP-1タンパク質によって活性化されるので、プロモータがSP-1により刺激されるためには単一のSP-1配列で十分のようである(Kadonaga et al:Cell.1987;51:1079-90; Courey et al:Cell.1988;55:887-98.)。AP-1配列はJunホモダイマー又はFos/Junヘテロダイ

マー複合体のいずれかからなるAP-1転写因子に応答する。AP-1配列を介してT
PA、v-src遺伝子産物及びhTGF- β 1自身のようないくつかの物質がhTGF- β 1
遺伝子の発現を刺激する(Kim et al:J Biol Chem.1989;264:7041-5;

Kim et al:J Biol

Chem.1989;264:19373-8.

Kim et al:Mol Cell

Biol.1990;10:1492-7;

Birchenall-Roberts et al:Mol

Cell Biol.1990;10:4978-83.)。

- [0036] SP-1及び／又はAP-1配列がhTGF- β 1遺伝子発現の活性化を仲介すると仮
定されている。重要なポリアミドは応答性の転写因子の結合を遮断するために、異な
るAP-1及びSP-1配列に隣接する塩基対を標的とするように設計されている。しか
し、これらのポリアミドがhTGF- β 1プロモータの活性を阻害することができるか、又
は活性化することができるかを示すに十分なデータはない。これらの結果は、設計し
たポリアミドがDNA等の副溝(マイナーグループ)中で占有する位置が不適切だった
ためかもしれない。本発明者らは標的配列をhTGF- β 1プロモータの上流にまで拡
張した。一つのポリアミドはhTGF- β 1プロモータ-544〜-538塩基対を標的として
おり、これはインビトロでプロモータの活性を阻害し(図5〜7)、培養hVSMCではhT
GF- β 1 mRNAとタンパク質を阻害する(図7、8)ことが示されている。hTGF- β 1
プロモータの-544〜-538塩基対はちょうど脂肪特異性配列(FSE2)に隣接してい
る(図1)。前脂肪細胞(プレアジポサイト)においてFSE2は脂肪細胞P2(aP2)遺伝
子の発現に対して抑制的機能を示し、前脂肪細胞は脂肪細胞よりも多くのFSE2配
列結合タンパク質を含んでいる(Kadonaga et al:Cell.1987;51:1079-90;
Courey et
al:Cell.1988;55:887-98.)。TATAボックスを含むコアプロモータからは転写を抑制す
る転写リプレッサーは見つかってはいるが、TATAのないプロモータからは見つかっ
ていない(Aso et al:EMBO J.1994;13:435-45;Mack et
al:Nature.1993;363:281-3;Merino et al:Nature.1993;365:227-32.)。これらの転写リ

プレッサーはTBP-TATA相互作用に干渉し、次いで遺伝子の転写を阻害すると考えられた。これらのリプレッサーのデータを組合せると、脂肪細胞におけるFSE-2配列の抑制機能はTATAボックスによって仲介されると仮定される。hTGF- β 1プロモータはTATAボックスを含んでいないので、hTGF- β 1におけるFSE2配列の機能はaP2遺伝子におけるそれとは異なっていると考えられる。ほとんどの哺乳類遺伝子の発現はプロモータとエンハンサー配列に結合した莫大な数のタンパク質の作用の組合せに依存している傾向が高いので、今回の結果を説明する最も簡単なモデルは、本発明のピロールイミダゾールポリアミドがFSE2配列の領域で転写因子-DNA相互作用を遮断し、hTGF- β 1プロモータ活性に対して阻害効果を示すということである。

- [0037] プロモータ領域における転写因子の調節以外に、他の因子も遺伝子発現に影響を与えている可能性もある。これらの因子はクロマチンパッキング、ポリアデニレーション、スプライシング、mRNA安定性、翻訳開始等を包含するものである(Berger et al: Mol Cell.2001;5:263-8; McKeown Annu Rev Cell Biol.1992;8:133-55; Decker et al:Trends Biochem Sci.1994;19:336-40;Kozak Annu Rev Cell Biol.1992;8:197-225.)。合成ポリアミドはヌクレオソームの位置関係から標的的部位に接近することができ、特異的配列を標的とすることによりクロマチンの縮合・脱縮合構造に影響を与えている可能性がある(Gottesfeld et al: J Mol Biol.2002;321:249-63;Gottesfeld et al: J Mol Biol.2001;309:615-29.)。ピロールイミダゾールポリアミドがヘテロクロマチン褐色サテライトを開き、GAFの結合を可能とし、その結果drosophila melanogasterにおける表現型の変化を引き起こしているということが証明されている。ピロールイミダゾールポリアミドは容易に合成し、興味のある配列を標的とするように設計できるので、ゲノムの機能研究や最終的にはhTGF- β 1遺伝子阻害や活性化のような遺伝子治療に有用である。

- [0038] 本発明に係るPy-Imポリアミドは転写開始領域からは遠位の上流において設計す

ることができ、これがhTGF- β 1遺伝子の発現に対する阻害効果を示す。

実施例

[0039] I. 材料及び方法

(1) hTGF- β 1プロモータに対応するPy-Imポリアミドの設計

本実験に用いた化合物とそのミスマッチ化合物(以下、単にミスマッチともいう)の形成スキームを図1に示す。Py-Imポリアミドは脂肪特異性配列2(FSE2)に隣接するhTGF- β 1プロモータの-544~-538塩基対に結合するように設計した。

[0040] (2) Fmoc法を用いたPy-Imポリアミドのマシンアシスト(機械補助)自動合成

ピロールイミダゾールポリアミドのマシンアシスト自動合成を、連続フローペプチド合成機Pioneer(商標)(アプライドバイオシステムズ)を用いて0.1mmolスケール(200mgのFmoc- β -アラニン-CLEAR酸レジン、0.50meq/g、Peptide Institute, Inc.)で実施した。自動固相合成はDMF洗浄、Fmoc基の20%ピペリジン/DMFによる除去、メタノール洗浄、HATU及びDIEA(それぞれ4当量)の存在下でのモノマーとの60分間のカップリング、メタノール洗浄、必要に応じて無水酢酸/ピリジンによる保護、及び最終的なDMF洗浄からなっている。Py-Imポリアミドは一般に中程度の収率(10-30%)で得られた。

[0041] FITCカップリング: 4倍過剰のフルオレセイン(0.40mmol)及びDIEA(HATUなし)をDMFに溶解したものをカラムを通して60分間フラッシュした。

[0042] 一般的手順: Fmoc- β -アラニン-Wang樹脂のFmoc基を除去した後、樹脂をメタノールで連続的に洗浄した。カップリング工程をFmocアミノ酸で実施し、次いでメタノールでの洗浄を行った。これらの工程を全配列が導入されるまで何度も繰返した。カップリング工程を終えた後、必要に応じてN末端アミノ基を保護するか又はFITCでカップリングし、DMFで洗浄し、反応容器を取りはずした。

[0043] カルボン酸としての分解: 合成ポリアミドを冷エチルエーテル沈澱により分解工程(91%TFA-3%/TIS-3%DMS-3%水の混合物5ml/樹脂0.1mmol)の後に単離した。

[0044] アミンとしての分解: 合成ポリアミドを冷エチルエーテル沈澱により分解工程(N,N-ジメチルアミノプロピルアミン5ml/樹脂0.1mmol、50°C、一晚)の後に単離し

た。

[0045] 精製: 最終精製は、10ml/minの流速の分析用RP-HPLCで、緩衝液A(0.1% AcOH/水)中B(アセトニトリル)の直線勾配を用いて、350nmのUV検出により行った。

[0046] 以下、化合物4a及び4bにおいて、IはN-メチルイミダゾール残基、PはN-メチルピロール残基、 β は β -アラニン残基、 γ は γ -アミノ酪酸残基、DpはN, N-ジメチルアミノプロピルアミン、Acはアシル基を表す。

[0047] a) FITC- β -IPP- β -IPP- γ -PPP- β -PP- β Dp(化合物4a)
勾配: 緩衝液B 15%~45%(30分間)、流速10ml/min。収率 7mg(3%)。

[0048] b) Ac-IPP- β -IPP- γ -PPP- β -PP- β COOH(化合物4b)
勾配: 緩衝液B 25%~35%(30分間、60℃)、流速10ml/min。収率29mg(17%)。

[0049] Py-Imポリアミド(化合物4b)の構造は図2Aに、そのTIC(total ion chromatogram)チャートとエレクトロスプレーイオン化質量分析スペクトルを図2Bに示す。なお、ミスマッチとしては、上記化合物4bのアシル基に隣接するIをPで置き換えたAc-PPP- β -IPP- γ -PPP- β -COOHの構造を有するポリアミドを用いた。

[0050] (3) hVSMC細胞培養

hVSMCはClonetics(Walkersville, MD)から得た。hVSMCを10%仔ウシ血清(Gibco Life Technologies, Gaithersburg, MD)、100U/mlペニシリン、及び100mg/mlストレプトマイシンを含むDulbecco変性Eagle培地(DMEM)にて培養した。細胞をCa²⁺フリー及びMg²⁺フリーのリン酸緩衝食塩水(PBS)中0.05%トリプシン(Gibco)でのトリプシン処理により継代し、75-cm²組織培養フラスコで培養した。培地は4~5日毎に交換し、5~10継代の間の細胞について実験を行った。

[0051] (4) 培養hVSMCにおけるFITC-標識ポリアミド類のインキュベーション

継代hVSMCを10⁵/cm²の密度で24時間、24ウェルのフラスコで培養した。FITC標識ポリアミドを10⁻⁹Mの濃度で培地に直接添加し、蛍光顕微鏡で1時間ごとに観察した。

[0052] (5) ゲルシフトアッセイ

オリゴヌクレオチドを合成し、アニーリングして、hTGF- β 1プロモータの-548-537塩基対に対応する12種の二本鎖オリゴヌクレオチドとした(図1A)。二本鎖DNAを $[\gamma\text{-}^{32}\text{P}]\text{-ATP}$ を用いたT4ポリヌクレオチドキナーゼで標識し、37°Cで15分間、結合緩衝液(40mM Tris, pH7. 9, 250mM NaCl, 25mM EDTA, 25mM DTT, 100mM KCl)中でポリアミド又はミスマッチポリアミドとともにインキュベートした。得られた複合体を20%ポリアクリルアミドゲルにより電気泳動し、オートラジオグラフィで可視化した。

[0053] (6)hTGF- β 1プロモータの制御下でのルシフェラーゼ遺伝子発現系の構築

プラスミドphTBG 101(非特許文献10)由来の2. 2kb hTGF- β 1プロモータを分離し、pGL3基本プラスミドに挿入し(Promega, Madison, WI)、ルシフェラーゼリポーター遺伝子のコード領域の上流に置いた。正確な構築プラスミドは制限酵素スペクトル分析及び配列決定により同定された。

[0054] (7)インビトロ転写反応

インビトロ転写反応はHeLa核抽出物を用いてインビトロ転写系で行った(Promega, Madison, WI)。25 μ Lの反応液は、100ngのDNA鋳型、8UのHeLa核抽出物、3種類の非標識三リン酸(UTP、CTP、GTP)の各々400 μ M、25 μ M $\gamma\text{-}^{32}\text{P}\text{-ATP}$ (5ci/mmol, NEM Life Science Products)、及び20mMのヒドロキシエチルピペラジニエタンスルホン酸(HEPES)を含む転写緩衝液(pH7. 9)、100 mMのKCl、4. 0mM MgCl_2 、20%グリセロール、0. 2mM EDTA、0. 6mM フェニルメチルスルホニルフルオリドからなるものであった。転写鋳型DNAはSphI(New England BioLabs, Beverly, MA)で切断した。転写反応液を30°Cで60分間インキュベートした後、175 μ MのHeLa抽出物停止溶液(0. 3M Tris-HCl, pH7. 0、0. 3M 酢酸ナトリウム、0. 5%SDS、2. 0mM EDTA、3 μ g/ml tRNA)を添加することによって反応を停止し、次いでフェノールクロホルム-イソアミルアルコール抽出及びエタノール沈澱を行った。試料を98%ホルムアルデヒド・ローディング色素中に再懸濁させ、90°Cで10分間加熱してから6%、7M尿素・ポリアクリルアミドゲルで泳動した。ゲルを乾燥し、オートラジオグラフィで可視化した。

[0055] (8)一時的トランスフェクションとルシフェラーゼアッセイ

hVSMC細胞を10%CSの存在下で24ウェル皿に $10^{-6}/\text{cm}^2$ の密度で培養した。24時間後、hTGF- β 1プロモータにより駆動されるレポーター遺伝子を、滅菌培地に $1\mu\text{g}$ のDNAの存在下リポフェクチン試薬(GibcoBRL)を用いて、製造者の指示する方法にしたがってトランスフェクトした。細胞をDNAリポソーム複合体とともに6時間インキュベートし、次いで培地を1mlの新鮮な完全培地で置き換えた。トランスフェクションの24時間後、細胞をポリアミド又はミスマッチポリアミドの存在下又は非存在下で、0.5%CSを含む培地で24時間インキュベートした。この処理の終わりに、培地を取り除き、細胞を剥がして $150\mu\text{l}$ のPassive Lysis緩衝液中に入れた。簡単に遠心分離を施した後、細胞抽出物でデュアルールシフェラーゼレポーター遺伝子アッセイ系(Promega, Madison, WI)を用いてルシフェラーゼ活性を測定した。 $100\mu\text{l}$ のルシフェラーゼ基質を $20\mu\text{l}$ の抽出物に添加した。混合後、反応物をルミノメーター(Turner Designs-Bioblock, Illkirch, France)に置き、室温で10秒間に発生する発光を測定した。

- [0056] (9)RNA抽出及び成長因子mRNAのための逆転写反応、ポリメラーゼ連鎖反応(RT-PCR)アッセイ

培養細胞をPBSで洗浄し、 $800\mu\text{L}$ のRNAzolB(Biotex Laboratories, Inc., Houston, TX)に溶解し、 $80\mu\text{L}$ のクロロホルムと混合し、遠心分離を施し、無色の上部水相を等体積のイソプロパノールと混合してRNAを沈澱させた。RNAペレットを $500\mu\text{L}$ の75%エタノールで二回洗浄し、乾燥後、 $10\mu\text{l}$ のTE緩衝液に溶かした。 65°C で15分間変性させた後、RNA試料を室温で45分間、0.5mlのDNアーゼ緩衝液(20mM Tris-HCl pH 8.3, 50mM KCl, 2.5mM MgCl_2)中、0.5U DNアーゼ(Gibco)で処理した。DNアーゼは0.5mL 0.5M EDTAを添加し、 98°C で10分間加熱することによって不活化した。

- [0057] 等量のRNAのアリコート($1\mu\text{g}/20\mu\text{L}$)を、10mM Tris-HCl(pH 8.3)、5mM MgCl_2 、50mM KCl、1mM デオキシNTP類、及び2.5 μM ランダムヘキサマー中、2.5U/ $20\mu\text{L}$ トリ骨髄芽腫ウイルス逆転写酵素(Takara Biochemicals, Osaka, Japan)を用いて一本鎖cDNA中に逆転写させた。2 μL の希釈cDNA生成物を10mM Tris-HCl(pH 8.3)、50mM KCl、4mM MgCl_2 、0.025U/

μ L Taq DNAポリメラーゼ (Takara Biochemicals, Osaka, Japan) 及び上流センスプライマー及び下流アンチセンスプライマーの各々 0.2μ M とともに混合し合計 25μ L とした。センスプライマー (5'-ATCAGAGCTCCGAGAAGCGGTAC C-3') (配列番号4) 及びアンチセンスプライマー (5'-GTCCACTTGCAGTGTT ATCCTG-3') (配列番号5) を hTGF- β 1 mRNA の PCR 増幅に使用した。ヒト 18S リボソーム RNA についてセンスプライマー (5'-TCAAGAACGAAAGTCGG ACG-3') (配列番号6) 及びアンチセンスプライマー (5'-GGACATCTAAGGG CATCACA-3') (配列番号7) を内部対照として使用した。PCR を自動熱制御器 (Perkin Elmer, Foster, CA) で行った。PCR 条件は 94°C 2 分の初期変性、次いで 30 サイクルの変性 94°C 1 分、アニーリング 58°C 1 分、伸張 72°C 1 分を行い、最後に 72°C 10 分の伸張反応を行うものであった。18S

rRNA についてのプライマーによる PCR を内部対照として各反応中に含ませた。ゲノム DNA が PCR によって増幅しないことを確認するために、逆転写酵素なしプライマーセットありの対照 RT-PCR 実験を行った。反応のいずれにおいても生成物は増幅しなかった。mRNA の半定量的分析のために、PCR 反応の動力学をモニターした。PCR 産物がゲル上で検出可能になったサイクル数を種々の試料間で比較した。連続した 10 倍希釈の cDNA (100、10 及び 1 ng) を増幅した。PCR 産物は cDNA の量を増加していくとより早いサイクルの段階で検出可能となった。標的 mRNA の各々に対応する PCR 産物の量は 20-35 サイクルで直線的に増加した。 5μ M の PCR 産物を 1.5% アガロースゲル上の電気泳動により分離した。バンド強度を NIH ソフトウェアを用いてコンピュータ分析により測定した。

[0058] (10) 細胞の調製とウェスタンブロット分析

被験 VSMC 及び対照 VSMC を 6 ウェルプレートで 24 時間インキュベートし、PBS で 2 回洗浄し、 300μ L の溶解緩衝液 (50 mM Tris-HCl (pH 8.0)、150 mM の NaCl、1 mM EDTA、1 mM フェニルメチルスルホニルフルオリド、 1μ g/mL アプロチニン、1% Triton X-100) で氷上 30 分間インキュベートした。細胞を 1.5 mL チューブ中に剥ぎ取り、遠心分離し、上澄み液を集め、タンパク質含量を BIO-RAD タンパク質アッセイキット (Bio-Rad Lab, Hercules, CA) を用いたブラッドフォー

ドタンパク質アッセイにより決定した。上澄み液は20 μ gの全タンパク質を含んでいた。これをローディング緩衝液中100°Cで3分間変性し、10%ポリアクリルアミドゲルで泳動し、ニトロセルロース膜に転写した。膜をhTGF- β 1に特異的なマウスモノクローナル抗体(1:500)(R&D systems、Minneapolis、MN)とともに室温で1時間インキュベートし、次いで抗マウスHRP共役第二抗体とともに1:2000で室温で1時間インキュベートした後、十分に洗浄した。膜を電気化学発光基質(Amersham Life Service、Buckinghamshire、UK)とともにインキュベートし、X線フィルムに暴露した。

[0059] (11)統計解析

結果は平均値 \pm SEMで表現した。平均値間の差の有意性はスチューデントt検定により評価した。0.05未満のp値を有意であるとした。

[0060] II. 結果

(1)合成ポリアミドの二本鎖オリゴヌクレオチドへの結合

まず、合成Py-Imポリアミド(化合物4a及び4b)がその対応塩基対に結合するかどうかをチェックした。いずれのポリアミドも対応する12塩基対二本鎖オリゴヌクレオチドに結合することができたが(図3、レーン2-4)、ミスマッチポリアミドはこれらのオリゴヌクレオチドには結合しなかった(図3、レーン1)。

[0061] (2)合成ポリアミドの細胞膜の透過と核内への取り込み

合成化合物が核内に入り生存細胞中で安定な状態にあることを示すためにPy-ImポリアミドをFITCで標識した。FITC標識ポリアミドを培地中 10^{-9} Mの濃度で2時間インキュベートしたところ、このFITCを培養hVSMCの核内で高密度で検出することができた。(図4)。核内におけるFITC標識ポリアミドのこの高蓄積はゲノム内の非特異的結合によるものであり、細胞質中のこの化合物の濃度ははるかに低いものであった。

[0062] (3)合成ポリアミドによるhTGF- β 1プロモータ活性の阻害

インビトロ転写系はHeLa核抽出物とhTGF- β 1プロモータの存在下でDNA暗号を転写する。合成ポリアミド(Pol)はhTGF- β 1プロモータの-544~-538塩基対に結合するので、転写を減少させる。一方、ミスマッチポリアミド(Mis)は転写分子の

形成に有意な効果を示さなかった(図5)。

プラスミドトランスフェクション実験において、ルシフェラーゼをコードするレポーター遺伝子はhTGF- β 1プロモータにより駆動され、培養hVSMC中で発現された。12-O-テトラデカノイルフォルボール-13-アセチルトランスフェラーゼ(TPA)はルシフェラーゼタンパク質の発現を刺激した。 10^{-9} Mのポリアミドのインキュベーションによりルシフェラーゼの発現を有意にダウンレギュレートすることができたが、ミスマッチポリアミドはルシフェラーゼ遺伝子の発現には効果はなかった(図6)。

[0063] (4) 合成ポリアミドによるhVSMC中でのhTGF- β 1mRNAの阻害

インビボにおけるhTGF- β 1遺伝子の発現に対するポリアミドの効果を観察するために、培養hVSMCを 10^{-9} Mポリアミドとともに24時間インキュベートした。hTGF- β 1mRNAをRT-PCR法を用いて分析した。TPAを陽性対照として用いた。50ng/mL TPAはhTGF- β 1mRNAの発現を有意に刺激した。本発明のポリアミド(pol)はTPAにより誘導されたhTGF- β 1mRNAの発現を有意に阻害したが、ミスマッチポリアミド(Mis)は阻害しなかった(図7)。

[0064] (5) hVSMCにおけるhTGF- β 1タンパク質の発現に対する合成ポリアミドの効果

本発明者らはhVSMCにおけるhTGF- β 1タンパク質の発現に対する合成ポリアミド(pol)の効果をチェックした。 10^{-9} Mの合成ポリアミドは24時間のインキュベーション後にhTGF- β 1タンパク質の発現を阻害したが、ミスマッチポリアミド(Mis)は阻害しなかった(図8)。

産業上の利用可能性

[0065] 本発明のTGF- β 遺伝子発現抑制剤はTGF- β の産生が関与する疾病の治療薬として利用可能である。

図面の簡単な説明

[0066] [図1]本発明で用いられる合成Py-Imポリアミドの構造を示す。

[図2A]合成Py-Imポリアミド(化合物4b)の構造を示す。

[図2B]合成Py-Imポリアミド(化合物4b)のTICチャートとエレクトロスプレーイオン化質量分析スペクトルを示す。

[図3]合成Py-Imポリアミドの対応二重鎖オリゴヌクレオチドへの結合によるポリアミド

ーオリゴヌクレオチド複合体の形成を示す。hTGF- β 1プロモータの-548ー-537塩基対(図1)に対応する二重鎖DNAは[γ - 32 P]-ATPを用いてT4ポリヌクレオチドにより標識され、ミスマッチポリアミド(レーン0)又は漸増量のポリアミド(レーン1ー3がそれぞれ1nM、2nM、4nM)と共に、結合緩衝液中37℃で15分間インキュベートした。得られた複合体を20%ポリアクリルアミドゲルにより電気泳動にかけ、オートラジオグラフィにより可視化した。

[図4] 10^{-9} Mの濃度で2時間インキュベーションした後、FITC標識ポリアミドが培養hVSMC細胞の核内に留まっていることを示す。FITC標識ポリアミドは培養hVSMC細胞の核内に48時間よりも長い時間留まっていることができる。FITC標識ポリアミドを 10^{-9} Mの濃度で培地に直接添加し、蛍光顕微鏡下で観察した。

[図5] ポリアミドがインビトロ転写反応においてルシフェラーゼ遺伝子転写を阻害することを示す。1 μ gのプラスミドを、8UHeLa核抽出物、3種類の非標識三リン酸(UTP、CTP、GTP)の各々の400mM、25 μ M α - 32 P-ATPと共に、転写緩衝液中、30℃で60分間インキュベートした。175 μ lのHeLa抽出停止溶液を添加することにより反応を停止し、次いでフェノールクロロホルムーイソアミルアルコール抽出とエタノール沈澱を行った。試料を98%ホルムアルデヒドローディング色素中に再懸濁し、6%、7M尿素ーポリアクリルアミドゲルに載せる前に90℃で10分間加熱した。ゲルを乾燥し、オートラジオグラフィで可視化した。

[図6] ポリアミドがプラスミド実験においてルシフェラーゼ遺伝子(pGL/TGF)の発現を阻害することを示す。TPAはhTGF- β 1プロモータの活性を促進し、ポリアミド(pol)はプロモータの活性を低下させたが、ミスマッチポリアミド(Mis)は低下させなかった。hTGF- β 1プロモータにより制御された1 μ gのルシフェラーゼ遺伝子を実験培地中リポフェクション試薬を用いて6時間でトランスフェクトした。トランスフェクションの24時間後、細胞を、0.5%CSを含有する培地中でポリアミド又はミスマッチポリアミドの存在(非存在)下で24時間インキュベートし、ルシフェラーゼ活性をデュアルルシフェラーゼレポーター遺伝子アッセイ系を用いてこれらの細胞抽出液で測定した。100 μ Lのルシフェラーゼ基質を20 μ Lの抽出液に加えた。混合後、反応液をルミノメータ(Turner Designs-Bioblock, Illkirch, France)中に置き、室温で10秒間に

発生する光を測定した。PMAを陽性コントロールとして用いた。コントロールとの比較
* $p < 0.05$ 。

[図7]ポリアミドがhVSMC中でhTGF β 1 mRNAの発現を阻害することを示す。 10^{-9} Mのポリアミドを培養hVSMCの培地に添加し、24時間インキュベーションした。50 ng/mLのTPAでの処理を陽性コントロールに用いた。全RNAを細胞から抽出し、一本鎖cDNAに逆転写し、材料と方法の部で先述したhTGF β 1と18SrRNAのプライマーで増幅した。(A) 5 μ lのPCR産物を1.5%アガロースゲル上で電気泳動により分離した。(B) TPAはhTGF β 1 mRNAの発現を刺激した。hTGF β 1 mRNAの18SrRNAに対する比はポリアミド処理群(pol)では有意に減少したが、ミスマッチポリアミド(mis)はhTGF β 1の発現に影響を与えなかった。

[図8]培養hVSMCにおけるhTGF β 1タンパク質へのポリアミドの効果を示す。 10^{-9} Mのポリアミドを培養hVSMCの培地に添加し、24時間インキュベーションした。(A) hTGF β 1タンパク質の発現をウェスタンブロット解析により検討した。(B) ポリアミド(pol)はhTGF β 1タンパク質を培養hVSMCにおいて有意に阻害したが、ミスマッチ(mis)は阻害しなかった。

配列表フリーテキスト

- [0067] 配列番号4 センスプライマー
配列番号5 アンチセンスプライマー
配列番号6 センスプライマー
配列番号7 アンチセンスプライマー

請求の範囲

- [1] N-メチルピロール単位(以下Pyとも言う)、N-メチルイミダゾール単位(以下Imとも言う)及びγ-アミノ酪酸単位を含むピロールイミダゾールポリアミドであって、ヒトランスフォーミング成長因子β1(以下hTGF-β1とも言う)プロモーターの以下に示す塩基配列-557〜-536(配列番号1)

TAAAGGAGAGCAATTCTTACAG

の一部又は全部とこれに対する相補鎖を含む二重らせん領域(以下標的領域と言う)の副溝内において、前記γ-アミノ酪酸単位の部位で折りたたまれてU字型のコンフォメーションをとることができ、C-G塩基対に対してはPy/Im対が、G-C塩基対に対してはIm/Py対が、A-T塩基対及びT-A塩基対に対してはいずれもPy/Py対がそれぞれ対応する、上記ピロールイミダゾールポリアミドを含んでなるTGF-β遺伝子発現抑制剤。

- [2] 更にβ-アラニン単位を含む請求項1記載のTGF-β遺伝子発現抑制剤。
- [3] 前記標的領域がhTGF-β1プロモーターの以下に示す塩基配列-548〜-537(配列番号2)

GCAATTCTTACA

の一部又は全部とこれに対する相補鎖を含む二重らせん領域である請求項1又は2記載のTGF-β遺伝子発現抑制剤。

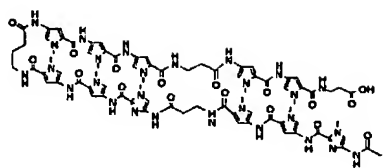
- [4] 前記標的領域がhTGF-β1プロモーターの以下に示す塩基配列-544〜-538(配列番号3)

TTCTTAC

の一部又は全部とこれに対する相補鎖を含む二重らせん領域である請求項3記載のTGF-β遺伝子発現抑制剤。

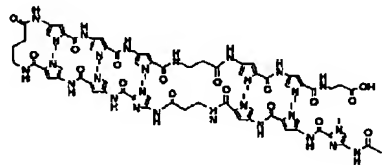
- [5] 前記ピロールイミダゾールポリアミドが下式で表される請求項1記載のTGF-β遺伝子発現抑制剤。

[化1]

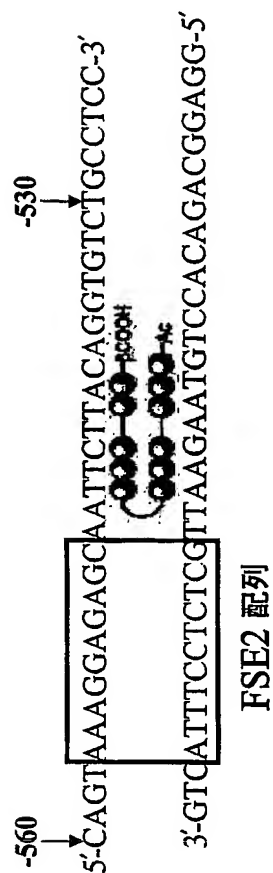


- [6] 前記ピロールイミダゾールポリアミドの末端のカルボキシル基がアミドを形成している請求項5記載のTGF- β 遺伝子発現抑制剤。
- [7] 前記アミドがN, N-ジメチルアミノプロピルアミンとのアミドである請求項6記載のTGF- β 遺伝子発現抑制剤。
- [8] 前記ピロールイミダゾールポリアミドがFITC(フルオレセインイソチオシアネート)と共役体を形成している請求項5〜7のいずれか一項記載のTGF- β 遺伝子発現抑制剤。
- [9] 下式で表されるピロールイミダゾールポリアミド。

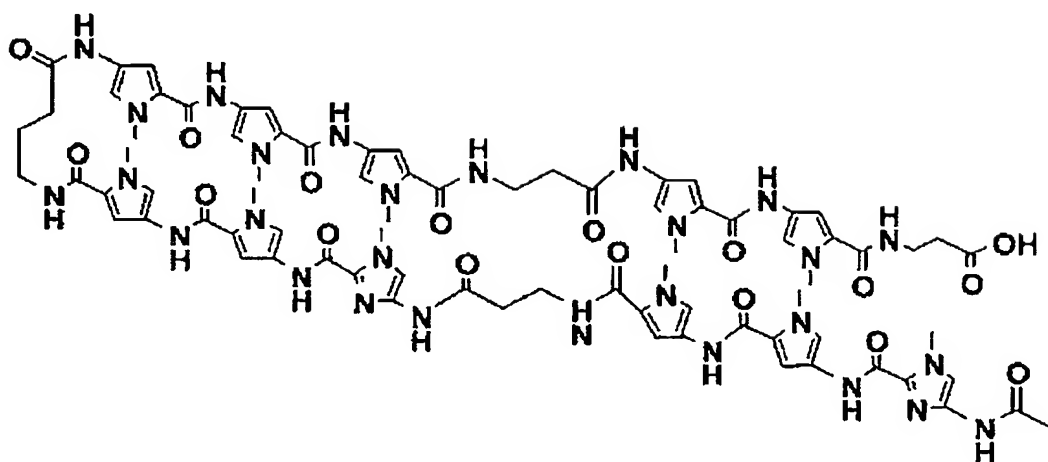
[化2]



[図 1]



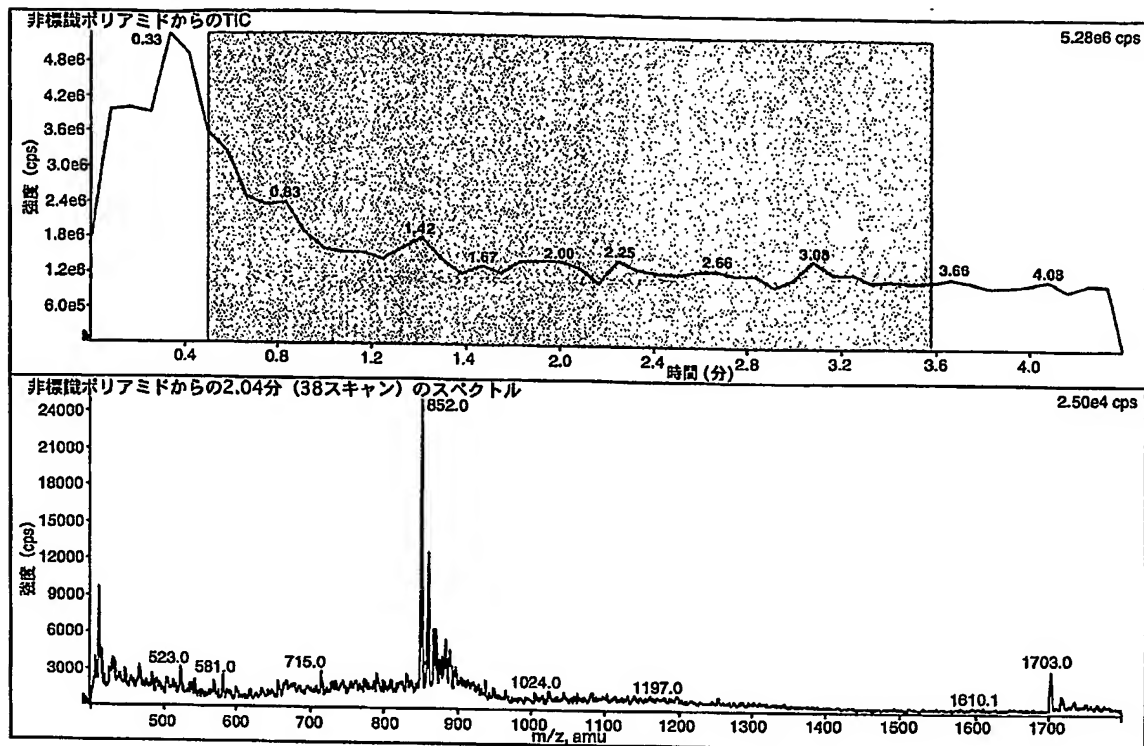
[図 2 A]



$C_{79}H_{90}N_{28}O_{17}$
 Exact Mass: 1702.70
 Mol. Wt.: 1703.74

[図 2 B]

2/3



[図 3]

0 1 2 3 4

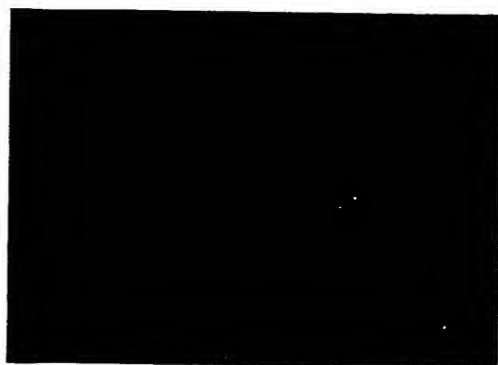
ポリアミド-オリゴヌクレオチド化合物 →

二本鎖オリゴヌクレオチド →

一本鎖オリゴヌクレオチド →



[図 4]



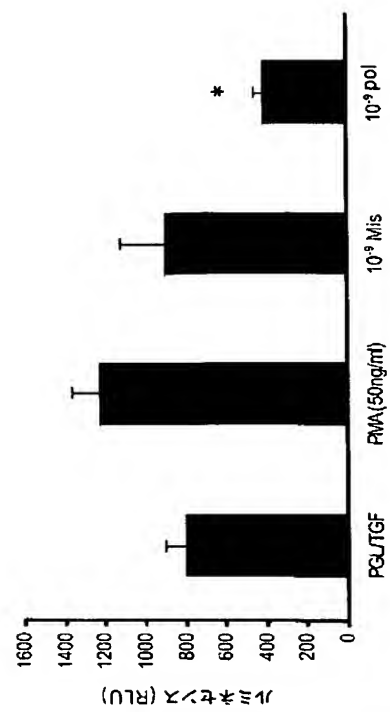
[図 5]

対照 ミスマッチ 本発明

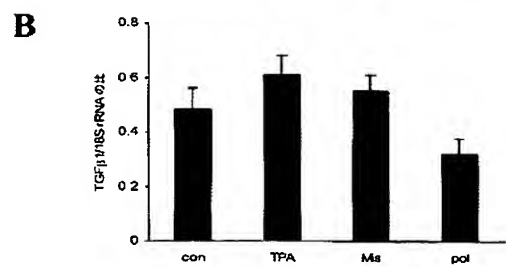
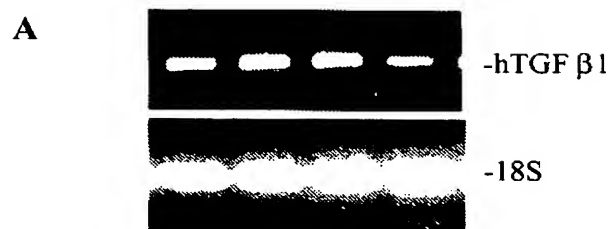


- ルシフェラーゼ mRNA

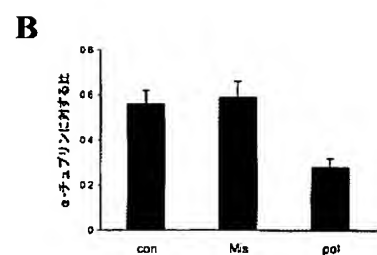
[図6]



[図7]



[図8]



INTERNATIONAL SEARCH REPORT

International application No.

PCT/JP2004/012854

A. CLASSIFICATION OF SUBJECT MATTER

Int.Cl⁷ A61K31/4178, A61P43/00//C07D403/14, C12N15/09, C07K5/023,
5/027, 5/037

According to International Patent Classification (IPC) or to both national classification and IPC

B. FIELDS SEARCHED

Minimum documentation searched (classification system followed by classification symbols)

Int.Cl⁷ A61K31/4178, A61P43/00//C07D403/14, C12N15/09, C07K5/023,
5/027, 5/037

Documentation searched other than minimum documentation to the extent that such documents are included in the fields searched

Jitsuyo Shinan Koho	1926-1996	Jitsuyo Shinan Toroku Koho	1996-2004
Kokai Jitsuyo Shinan Koho	1971-2004	Toroku Jitsuyo Shinan Koho	1994-2004

Electronic data base consulted during the international search (name of data base and, where practicable, search terms used)
CAPLUS/MELINE/BIOSIS/EMBASE (STN), JSTPlus/JMEDPlus (JOIS)

C. DOCUMENTS CONSIDERED TO BE RELEVANT

Category*	Citation of document, with indication, where appropriate, of the relevant passages	Relevant to claim No.
Y	FUKUDA, N., Gene therapy for arterial proliferative disease and progressive renal diseases by nucleic acid medicines, Nichidai Igaku Zasshi, July 2003, Vol.62, No.7, pages 329 to 336; particularly, page 335, left column	1-9
Y	WO 02/08468 A1 (DZ GENES LLC), 31 January, 2002 (31.01.02), Particularly, page 6, lines 25 to 26; position 806 to 827 of SEQ.ID.NO:1 & EP 1307590 A1 & US 2004/209254 A1	1-9

☒ Further documents are listed in the continuation of Box C.

☐ See patent family annex.

* Special categories of cited documents:

"A" document defining the general state of the art which is not considered to be of particular relevance

"E" earlier application or patent but published on or after the international filing date

"L" document which may throw doubts on priority claim(s) or which is cited to establish the publication date of another citation or other special reason (as specified)

"O" document referring to an oral disclosure, use, exhibition or other means

"P" document published prior to the international filing date but later than the priority date claimed

"T" later document published after the international filing date or priority date and not in conflict with the application but cited to understand the principle or theory underlying the invention

"X" document of particular relevance; the claimed invention cannot be considered novel or cannot be considered to involve an inventive step when the document is taken alone

"Y" document of particular relevance; the claimed invention cannot be considered to involve an inventive step when the document is combined with one or more other such documents, such combination being obvious to a person skilled in the art

"&" document member of the same patent family

Date of the actual completion of the international search
18 November, 2004 (18.11.04)

Date of mailing of the international search report
07 December, 2004 (07.12.04)

Name and mailing address of the ISA/
Japanese Patent Office

Authorized officer

Facsimile No.

Telephone No.

INTERNATIONAL SEARCH REPORT

International application No.

PCT/JP2004/012854

C (Continuation). DOCUMENTS CONSIDERED TO BE RELEVANT

Category*	Citation of document, with indication, where appropriate, of the relevant passages	Relevant to claim No.
Y	WO 03/00683 A1 (Japan Science and Technology Corp.), 03 January, 2003 (03.01.03), Full text & US 2004/171799 A1	1-9

A. 発明の属する分野の分類 (国際特許分類 (IPC))

Int. Cl⁷ A61K31/4178, A61P43/00//C07D403/14, C12N15/09, C07K5/023, 5/027, 5/037

B. 調査を行った分野

調査を行った最小限資料 (国際特許分類 (IPC))

Int. Cl⁷ A61K31/4178, A61P43/00//C07D403/14, C12N15/09, C07K5/023, 5/027, 5/037

最小限資料以外の資料で調査を行った分野に含まれるもの

日本国実用新案公報	1926-1996年
日本国公開実用新案公報	1971-2004年
日本国実用新案登録公報	1996-2004年
日本国登録実用新案公報	1994-2004年

国際調査で使用した電子データベース (データベースの名称、調査に使用した用語)

CAPLUS/MELINE/BIOSIS/EMBASE (STN)
JSTPlus/JMEDPlus (JOIS)

C. 関連すると認められる文献

引用文献の カテゴリー*	引用文献名 及び一部の箇所が関連するときは、その関連する箇所の表示	関連する 請求の範囲の番号
Y	FUKUDA, N., Gene therapy for arterial proliferative diseases and progressive renal diseases by nucleic acid medicines, Nichidai Igaku Zasshi, JULY 2003, Vol.62, No.7, p.329-336 特に第335頁左欄参照	1-9
Y	WO 02/08468 A1 (DZ GENES LLC) 2002.01.31, 特に第6頁第25-26行、及び、position 806-827 of SEQ ID NO:1 & EP 1307590 A1 & US 2004/209254 A1	1-9

☒ C欄の続きにも文献が列挙されている。☐ パテントファミリーに関する別紙を参照。

* 引用文献のカテゴリー

「A」 特に関連のある文献ではなく、一般的技術水準を示すもの
「E」 国際出願日前の出願または特許であるが、国際出願日以後に公表されたもの
「L」 優先権主張に疑義を提起する文献又は他の文献の発行日若しくは他の特別な理由を確立するために引用する文献 (理由を付す)
「O」 口頭による開示、使用、展示等に言及する文献
「P」 国際出願日前で、かつ優先権の主張の基礎となる出願

の日の後に公表された文献
「T」 国際出願日又は優先日後に公表された文献であって出願と矛盾するものではなく、発明の原理又は理論の理解のために引用するもの
「X」 特に関連のある文献であって、当該文献のみで発明の新規性又は進歩性がないと考えられるもの
「Y」 特に関連のある文献であって、当該文献と他の1以上の文献との、当業者にとって自明である組合せによって進歩性がないと考えられるもの
「&」 同一パテントファミリー文献

国際調査を完了した日

18.11.2004

国際調査報告の発送日

07.12.2004

国際調査機関の名称及びあて先

日本国特許庁 (ISA/JP)
郵便番号100-8915
東京都千代田区霞が関三丁目4番3号

特許庁審査官 (権限のある職員)
安川 聡

4C 3039

電話番号 03-3581-1101 内線 3452

様式PCT/ISA/210 (第2ページの続き) (2004年1月)

**This Page is Inserted by IFW Indexing and Scanning
Operations and is not part of the Official Record**

BEST AVAILABLE IMAGES

Defective images within this document are accurate representations of the original documents submitted by the applicant.

Defects in the images include but are not limited to the items checked:

- ☐ BLACK BORDERS
- ☐ IMAGE CUT OFF AT TOP, BOTTOM OR SIDES
- ☐ FADED TEXT OR DRAWING
- ☐ BLURRED OR ILLEGIBLE TEXT OR DRAWING
- ☐ SKEWED/SLANTED IMAGES
- ☐ COLOR OR BLACK AND WHITE PHOTOGRAPHS
- ☐ GRAY SCALE DOCUMENTS
- ☒ LINES OR MARKS ON ORIGINAL DOCUMENT
- ☐ REFERENCE(S) OR EXHIBIT(S) SUBMITTED ARE POOR QUALITY
- ☐ OTHER: _____

IMAGES ARE BEST AVAILABLE COPY.

As rescanning these documents will not correct the image problems checked, please do not report these problems to the IFW Image Problem Mailbox.